

1	Genome-wide association study identifies a susceptibility locus for schizophrenia in Han Chinese at 11p11.2	Nature Genetics	2017, 22: 954-960	31.8	岳伟华, 王海峰, 孙良丹, 汤富磊, 刘忠华, 张红星, 李文强, 张艳玲, 张阳, 马翠翠, 杜波, 王力芳, 任云清, 杨勇锋, 胡晓凤, 王毅, 邓伟, 谭立文, 谭云龙, 陈琦, 徐广明, 杨贵刚, 左先波, 阎浩, 阮燕燕, 卢天兰, 韩雪, 马晓红, 汪燕, 蔡丽伟, 金超, 张鸿雁, 闫俊, 宓为峰, 尹先勇, 马文斌, 刘琦, 康岚, 孙伟, 潘成英, 双梅, 杨甫德, 王传跃, 杨建立, 栗克清, 马辛, 李凌江, 于欣, 李启寨, 黄迅, 吕路线, 李涛, 赵国平, 黄薇, 张学军, 张岱	黄薇, 张岱	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	178	否
2	Common variants on 2p16.1, 6p22.1 and 10q24.32 are associated with schizophrenia in Han Chinese population	Molecular Psychiatry	2017, 22: 954-960	9.6	郁昊, 阎浩, 李俊, 李志强, 张晓龙, 马远林, 梅黎伟, 刘晨星, 蔡雷, 王强, 张付全, 王力芳, 卢天兰, 李明, 徐沪济, 吴忻, 刘冰, 杨建立, 栗克清, 吕路线, 马辛, 王传跃, 李凌江, 杨甫德, 蒋田仔, 师咏勇, 李涛, 张岱, 岳伟华	岳伟华	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	42	否
3	Integration analysis of methylation quantitative trait loci and GWAS identify three	Neuropsychopharmacology	2020, 45(7):1179-1187	6.6	郁昊, 程维秋, 张晓, 王鑫, 岳伟华	岳伟华	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	8	否

	schizophrenia risk variants								
4	Five novel loci associated with antipsychotic treatment response in patients with schizophrenia: a genome-wide association study	Lancet Psychiatry	2018, 5: 327-338	30.8	郁昊, 阎浩, 王力芳, 李俊, 谭立文, 邓伟, 陈琦, 杨贵刚, 张付全, 卢天兰, 杨建立, 栗克清, 吕路线, 谭庆荣, 张鸿燕, 肖潇, 李明, 马辛, 杨甫德, 李凌江, 王传跃, 李涛, 张岱, 岳伟华	岳伟华	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	75	否
5	Effect of Damaging Rare Mutations in Synapse-Related Gene Sets on Response to Short-term Antipsychotic Medication in Chinese Patients With Schizophrenia: A Randomized Clinical Trial	JAMA Psychiatry	2018, 75(12):1261-1269	22.5	王强, 胡希文, 岳伟华, 阎浩, 张雅敏, 谭立文, 邓伟, 陈琦, 杨贵刚, 卢天兰, 王力芳, 张付全, 杨建立, 栗克清, 吕路线, 谭庆荣, 张鸿燕, 马辛, 杨甫德, 李凌江, 王传跃, 马晓红, 赵连升, 任虹艳, 郁昊, 王英成, 胡迅, 张岱, Pak Sham, 李涛	Pak Sham, 李涛	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	22	否
6	Genome-Wide Association Study Suggested the PTPRD Polymorphisms Were Associated With Weight Gain Effects of Atypical Antipsychotic Medications	Schizophrenia Bulletin	2016, 42(3):814-823	5.3	郁昊, 王力芳, 吕路线, 马翠翠, 杜波, 卢天兰, 金超, 阎浩, 杨勇锋, 李文强, 阮燕燕, 张鸿燕, 张红星, 宓为峰, 马文斌, 栗克清, 张岱, 岳伟华	岳伟华	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	22	否
7	Longitudinal Network Analysis Reveals Interactive Change of Schizophrenia	Schizophrenia Bulletin	2023, 49(1):208-217 (在线发表: 2022年9月30日)	5.3	孙瑶瑶, 张于亚楠, 卢喆, 阎浩, 郭良坤, 廖云丹, 卢天兰, 王力芳, 李俊, 李文强, 杨勇锋, 郁昊,	毕文健, 岳伟华	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	8	否

	a Symptoms During Acute Antipsychotic Treatment				吕路线, 张岱, 毕文健, 岳伟华				
8	The Schizophrenia Susceptibility Gene OPCML Regulates Spine Maturation and Cognitive Behaviors through Eph-Cofilin Signaling	Cell Reports	2019, 29(1):49-61.e7	7.5	张峥嵘, 叶茂青, 李琼蔚, 游阳, 郁昊, 马远林, 梅黎伟, 孙夏琴, 王力芳, 岳伟华, 李人, 李俊, 张岱	李俊, 张岱	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	21	否
9	Functional genomics identify a regulatory risk variation rs4420550 in the 16p11.2 schizophrenia-associated locus	Biological Psychiatry	2021, 89(3):246-255	9.6	常宏, 蔡欣, 李慧娟, 刘伟鹏, 赵丽娟, 张楚祎, 王俊阳, 刘杰伟, 马晓蕾, 王路, 姚永刚, 罗雄剑, 李明, 肖潇	李明, 肖潇	《科学引文索引》(SCI-E) 引用	8	否
10	MTHFR 基因 C677T 多态性与利培酮所致药源性体重增加的关联分析	中华行为医学与脑科学杂志	2017, (9):830-	0	王宁, 张龚, 孙新宇, 卢天兰, 董铮, 谭云龙, 岳伟华	岳伟华	《中国科学引文数据库》(CSCD) 引用	2	否

知识产权证明目录

序号	类别	国别	授权号	授权时间	知识产权具体名称	全部发明人
1	中国发明专利	中国	ZL201810748949.8	2018-07-10	一种基于 Excel 导入的临床业务自动建库方法	黄雨; 陈冬雪; 岳伟华; 靳培培; 王雪萍
2	中国发明专利	中国	ZL201910293807.1	2021-06-08	一种动态量表配置系统和方法	黄雨; 岳伟华; 靳培培; 陈冬雪; 王雪萍
3	中国发明专利	中国	ZL202110565510.3	2022-08-30	抗精神病药物疗效预测相关的甲基化生物标记	岳伟华; 张岱; 郭良坤; 苏怡; 阎浩; 卢天兰; 陈冬雪; 常素华
4	中国发明专利	中国	ZL202410062866.9	2024-05-10	用于预测帕罗西汀或	岳伟华; 廖云丹;

					其药用盐对抑郁或焦虑症患者疗效的装置	郭靖; 袁睿; 孙玉涛; 康哲维; 张于亚楠; 杨扬
5	中国发明专利	中国	ZL202210875752.7	2023-05-30	医学知识图谱的质控方法、装置、计算机设备和存储介质	黄雨; 朱话时; 金芝; 李航; 岳伟华; 陈冬雪; 王雪萍
6	中国发明专利	中国	ZL202010158209.6	2022-08-30	一种临床研究与随访融合系统和方法	马钦鸿; 黄雨; 岳伟华; 王雪萍; 靳培培
7	中国发明专利	中国	ZL202110424672.5	2021-04-20	基于功能性磁共振成像构建网络模型的训练方法和装置	黄雨; 秦源泽; 岳伟华; 孙国峰
8	中国计算机软件著作权	中国	2025SR0161122	2025-01-23	六感心脑认知行为疗法软件[简称:六感心脑]V1.0	孙瑶瑶; 岳伟华; 郭靖; 赵国瑞; 张于亚楠; 刘燕; 白雪莹; 周菁颖
9	中国计算机软件著作权	中国	2024SR1773163	2024-11-13	基于遗传学的精神分裂症药物疗效预测系统V1.0	郭良坤; 卢喆; 孙瑶瑶; 张于亚楠; 岳伟华
10	中国计算机软件著作权	中国	2022SR0974590	2022-07-28	队列联合研究大数据统计软件V1.0	北京大学

完成人情况表

姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
岳伟华	1	北京大学第六医院	北京大学第六医院	教授,研究员	副院长
对本项目的贡献	作为第1完成人,负责完成了精神分裂症遗传易感性和药物疗效个体化差异研究的研究设计与组织,设计开展中国首个多中心精神分裂症药物基因组学研究,组织完成5个中心32家单位3000余例精神分裂症患者7种常见抗精神病药物治疗6周观察的随机对照临床研究,全面指导完成数据分析与论文撰写,对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的1、2、3、4项科学发现及代表性论文1-1、1-2、1-3、1-4、1-5、1-6、1-7、1-8、1-10。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
李涛	2	四川大学华西医院	杭州市第七人民医院	教授,主任医师	院长
对本项目的贡献	完成人组织完成精神分裂症患者7种常见抗精神病药物治疗6周观察的随机对照临床研究的分中心任务,深度参与精神分裂症遗传易感性研究,全面主导了罕见变异对抗精神病药物治疗反应影响的研究,指导完成数据分析与论文撰写,对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的1、2、3项科学发现及代表性论文1-1、1-2、1-4、1-5。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
肖潇	3	中国科学院昆明动物研究所	中国科学院昆明动物研究所	研究员	无
对本项目的贡献	完成人参与精神分裂症患者7种常见抗精神病药物治疗6周观察的随机对照临床研究,并应用表达数量性状基因座分析、表观基因组特征识别、染色质构象捕获、同源定向基因组编辑、RNA测序等,对精神分裂症风险位点进行了全面的表征,全面主导了功能表征研究体系的设计与实施,承担课题的构思与实验设计,指导具体工作的开展及相关数据分析,主导完成论文撰写和修订。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列				

	的第4项科学发现及代表性论文1-4和1-9。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
张于亚楠	4	北京大学第六医院	北京大学第六医院	副研究员	无
对本项目的贡献	完成人参与精神分裂症患者常见抗精神病药物治疗观察的随机对照临床研究数据分析,参与构建急性期抗精神病药治疗期间随时间变化的随机斜率网络,发现特定症状在治疗期间协同共变,从全新角度解析精神分裂症网络症状群在治疗期间的特性,识别抗精神病药治疗核心症状群,为开发靶向药物和个体化治疗提供证据。作为课题研究骨干,参与构建跨队列研究管理平台,构建基于遗传学的精神分裂症药物疗效预测系统,开发认知行为疗法软件。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第2项科学发现,代表性论文1-7、代表性专利2-4,软件著作权2-8和2-9。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
王强	5	四川大学华西医院	四川大学华西医院	研究员	教学主任
对本项目的贡献	完成人参与精神分裂症患者7种常见抗精神病药物治疗6周观察的随机对照临床研究,关注罕见变异对抗精神病药物治疗反应的影响,基于同样的抗精神病药物治疗的多中心随机对照试验,对316例患者进行全外显子组关联分析,发现特定基因集(在治疗无响应组中富含罕见的破坏性变异,并通过靶向测序在1920例独立样本中验证,首次揭示了谷氨酸传递中的罕见遗传变异与短期抗精神病药物疗效的关联。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第1和2项科学发现及代表性论文编号1-2和1-5。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
郁昊	6	济宁医学院	济宁医学院	教授	精神卫生学院院长
对本项目的贡献	完成人完成精神分裂症(SCH)遗传易感性和药物疗效个体化差异研究的数据分析与论文撰写,通过全基因组关联研究发现SCH新易感基因,整合转录组、甲基化组学等多组学分析和动物实验解析其部分功能;药物基因组学研究发现抗精神病药疗效个体差异新型靶基因,为阐释SCH发病机制和指导合理用药提供了重要依据。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第1、2、3项科学发现及代表性论文1-2、1-3、1-4、1-5、1-6、1-7、1-8。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
孙瑶瑶	7	北京大学第六医院	北京大学第六医院	助理研究员	无
对本项目的贡献	完成人构建了急性期抗精神病药治疗期间随时间变化的随机斜率网络,识别出精神分裂症症状网络的3个核心症状、4个桥梁症状以及5个稳定核团,发现这些症状在治疗期间协同共变,从全新角度解析精神分裂症网络症状群在治疗期间的特性,识别抗精神病药治疗核心症状群,为开发靶向药物和个体化治疗提供证据,参与构建基于遗传学的精神分裂症药物疗效预测系统,开发认知行为疗法软件。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第2项科学发现、代表性论文1-7、软件著作权2-8和2-9。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
李俊	8	北京大学第六医院	北京大学第六医院	研究员	无
对本项目的贡献	完成人参与精神分裂症患者7种常见抗精神病药物治疗6周观察的随机对照临床研究,主导精神分裂症遗传易感性和药物疗效个体化差异研究的实验验证。在精神分裂症患者和对照中通过遗传关联研究发现OPCML基因多态性增加精神分裂症患病风险,借助表达数量性状分析,证实携带风险等位基因的个体其海马区OPCML表达水平显著下调。给予基因修饰动物模型阿利哌唑治疗可改善树突棘发育不成熟的表型及认知行				

	为缺陷。对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第 1、2、4 项科学发现及代表性论文 1-2、1-4、1-7、1-8。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
张岱	9	北京大学第六医院	北京大学第六医院	教授,主任医师	无
对本项目的贡献	完成人完成精神分裂症遗传易感性和药物疗效个体化差异研究的的组织协调,参与协调完成 5 个中心 32 家单位 3000 余例精神分裂症 7 种常见抗精神病药物单一药物 6 周治疗观察的随机对照临床研究,指导完成数据分析及论文撰写,对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第 1、2、3、4 项科学发现及代表性论文 1-1、1-2、1-4、1-5、1-6、1-7、1-8。				
姓名	排名	完成单位	工作单位	职称	行政职务
黄雨	10	北京大学	北京大学	研究员	无
对本项目的贡献	完成人完成自主研发形成多中心临床研究数据平台,构建动态量表配置系统和方法,实现基于 Excel 导入的临床业务自动建库;基于该临床大数据平台在全国范围内建立规范化队列,应用于 1000 多家注册机构,管理百万级病例,支持精神分裂症遗传易感性和药物疗效个体化差异研究的开展,对应“四、重要技术发明或科技创新”所列的第 1、2、3 项科学发现及代表性专利 2-1, 2-2, 2-5, 2-6, 2-7。				
完成单位情况表					
单位名称	北京大学第六医院		排名	1	
对本项目的贡献	北京大学第六医院作为本项目的第一完成单位,负责完成研究方案设计、可行性分析、技术路线确定、示范与推广等重要工作,集临床医疗、人才培养、科学研究与公共卫生多项功能为一体,发现中国汉族人群精神分裂症易感基因,打破西方垄断;牵头全国 31 家精神卫生机构开展了为期 6 周、随机 7 种常见抗精神病药物单药治疗的大规模临床试验,药物基因组学分析发现多种抗精神病药物存在共同的非多巴胺拮抗机制的新型靶基因,且发现不同种类抗精神病药物有特异性疗效易感基因。此外在药物疗效、药物代谢能力、药源性代谢综合征及其他不良反应等药物基因组学研究方面也取得系列性丰硕成果;同时,作为承担单位开展基因调整靶向治疗方案的临床转化,在抗精神病药个体化疗效预测方面有所突破;依托生物实验室平台,完成细胞生物学、分子生物学、生物化学实验及小鼠行为实验,借助动物模型,阐明多个疗效易感基因的潜在功能和药理机制,为精神分裂症治疗提供了新的潜在治疗靶标。				
单位名称	四川大学华西医院		排名	2	
对本项目的贡献	四川大学华西医院作为本项目的第二完成单位,依托其在精神疾病临床诊疗与研究领域的深厚积累,积极参与研究方案的优化与实施,发挥了重要的协同作用。医院具备完善的精神疾病诊疗体系和丰富的临床资源,已建立多中心队列和高质量生物样本库,为本项目数据收集和样本检测提供了坚实保障。华西医院团队在抗精神病药物疗效评价及药物安全性监测方面积累了丰富经验,参与药物基因组学标志物筛选和验证工作,推动了多种抗精神病药物基因与疗效关联的深入解析。同时,医院在精准医疗及基因调控靶向治疗技术方面开展探索性研究,助力个体化治疗策略的临床转化及推广应用,促进了研究成果的科学性和临床可行性提升。				
单位名称	中国科学院昆明动物研究所		排名	3	
对本项目的贡献	中国科学院昆明动物研究所作为本项目的第三完成单位,充分发挥其在基因功能研究和动物模型构建方面的独特优势,积极参与项目的技术攻关和研究成果凝练。应用表达数量性状基因座分析、染色质构象捕获、基因编辑及 RNA 测序等多种前沿技术,全面表征精神分裂症风险基因的生物学功能和作用机制。研究所在功能基因组学和靶基因鉴定方面的创新性研究,为探索抗精神病药物疗效机制及精准治疗策略提供了重要科学依据。同时,研究团队在相关学术论文撰写、成果整理和后期推广应用方面也做出了重要贡献,有效提升了				

	研究成果的科学价值和临床转化潜力。		
单位名称	济宁医学院	排名	4
对本项目的贡献	<p>济宁医学院作为本项目的第四完成单位，依托其在精神疾病遗传学和分子机制研究方面的深厚基础，积极参与项目的具体实施和数据分析工作，发挥了重要支撑作用，聚焦于基因组学与表观遗传学的整合分析，深入探索精神分裂症风险基因在发病机制中的潜在作用，推动了疾病易感机制解析和个体化治疗策略开发，并在研究数据整理、分析报告撰写及研究成果推广方面做出了积极贡献，为项目的顺利推进和成果凝练提供了重要保障。</p>		
单位名称	北京大学	排名	5
对本项目的贡献	<p>北京大学作为本项目的第五完成单位，充分发挥其在信息技术与精神疾病研究领域的综合优势，主导完成了多中心临床研究数据平台的自主研发及建设工作。依托先进的信息化手段，项目组构建了动态量表配置系统及方法，成功实现了基于 Excel 导入的临床业务自动建库功能，显著提升了数据录入和管理效率。基于该临床大数据平台，项目组在全国范围内建立了规范化精神分裂症研究队列。平台不仅支持临床数据的高效整合与分析，还为精神分裂症遗传易感性和药物疗效个体化差异研究提供了坚实基础和技术支撑。平台的推广应用促进了精神分裂症精准医学研究的规模化与系统化开展，推动了研究成果的广泛转化和应用，对精神障碍个体化诊疗策略的开发具有重要推动作用。</p>		